



ALLIANCE™

[.https://www.globalseafood.org](https://www.globalseafood.org)Health &
Welfare

Desarrollo de un nuevo PCR en tiempo real para la detección y cuantificación de NHPB

10 December 2018

By Luis Fernando Aranguren, Ph.D. and Arun K. Dhar, Ph.D.

El nuevo método descrito es una herramienta de diagnóstico adicional para la confirmación del patógeno bacteriano de hepatopancreatitis necrotizante



Camarón blanco del Pacífico que muestra signos clínicos de NHPB; juvenil (izquierda); adulto (derecha).

La hepatopancreatitis necrotizante (NHP) es una enfermedad bacteriana entérica causada por una bacteria gram-negativa clasificada como *Hepatobacter penaei* (NHPB). Afecta a los camarones peneidos cultivados en varios países de las Américas, incluidos Estados Unidos, México, Belice, El Salvador, Guatemala, Honduras, Costa Rica, Nicaragua, Panamá, Brasil, Colombia, Ecuador, Perú y Venezuela.

El NHP es una enfermedad crónica que causa mortalidades de hasta 50 a 95 por ciento en postlarvas (PL), juveniles y reproductores de camarón blanco del Pacífico (*Penaeus vannamei*) afectados. La manifestación de signos clínicos de NHP a nivel de granja depende de las condiciones ambientales como la alta salinidad y la alta temperatura. Los camarones infectados con NHP muestran un caparazón blando típico, cuerpos flácidos, consumo reducido de alimento y tractos digestivos vacíos.

El curso de la infección por NHP tiene dos fases: fases aguda y crónica. Las lesiones de fase aguda en los camarones afectados por NHP incluyen necrosis y desprendimiento de las células epiteliales en el hepatopáncreas (HP) y túbulos de HP melanizados. En la fase crónica, las lesiones de HP se caracterizan por atrofia de los túbulos, disminución de la altura de las células epiteliales, bajo almacenamiento de lípidos en células R, y edema intratubular.

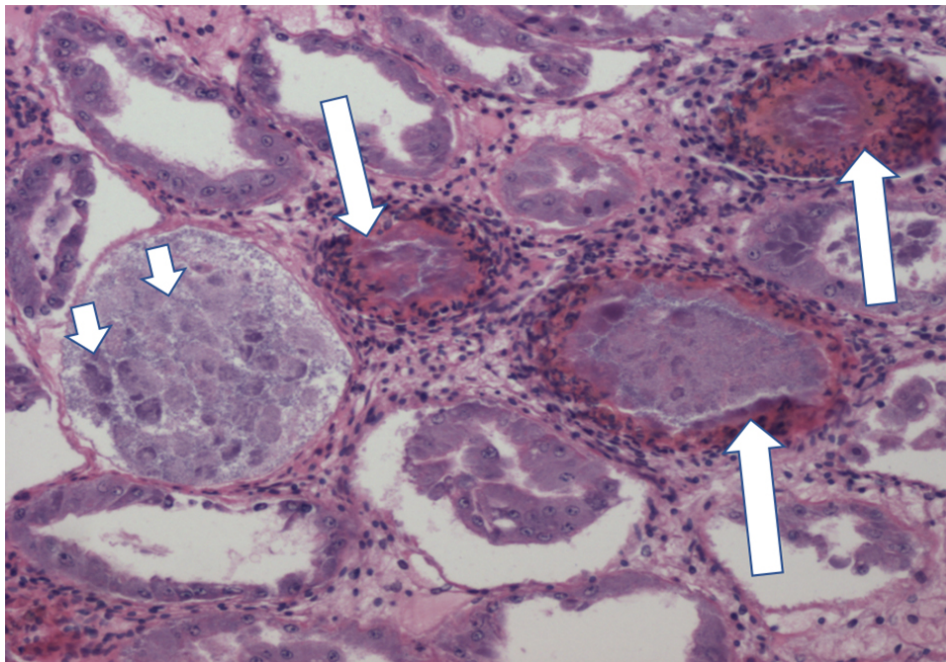


Fig. 1: Sección H&E del hepatopáncreas de un camarón afectado por el NHP que muestra necrosis, desprendimiento de células epiteliales cuticulares (indicadas por las flechas pequeñas) y túbulos melanizados (indicados por las flechas grandes). H&E 200X.



A comprehensive solution for the wild seafood supply chain.

- ✓ Crew rights
- ✓ Food safety
- ✓ Environmental responsibility

Best Seafood Practices

LEARN MORE >

(<https://bspcertification.org/>).

Desde el primer reporte en 1988, el NHP se ha convertido en una enfermedad tan importante en la industria del cultivo de camarón en el Hemisferio Occidental que, en 2010, fue incluida en la Lista de Enfermedades de Crustáceos de la Organización Mundial de Sanidad Animal (OIE). Se han desarrollado varios métodos de diagnóstico para detectar y confirmar la presencia de NHPB, incluida la reacción en cadena de la polimerasa (PCR), la histología y la hibridación in situ y el qPCR. Sin embargo, solo hay un método de PCR recomendado en el manual de la OIE y eso crea la necesidad de tener ensayos alternativos de PCR y PCR en tiempo real (qPCR) para la detección y confirmación de NHPB.

Los ensayos actuales de PCR y qPCR basados en la amplificación del gen 16S rRNA desarrollado en el Laboratorio de Patología Acuícola de la Universidad de Arizona (UAZ-APL) son los únicos métodos recomendados en el manual de la OIE para la detección de NHPB. Aunque estas técnicas son bastante sensibles y específicas para la detección de NHPB en camarones, en años recientes, ocasionalmente se han observado amplificaciones no específicas en el PCR de punto final cuando se analizan muestras de NHPB en quistes de artemia que fueron enviados al UAZ-APL.

Mejorando la especificidad de detección de NHPB

Para mejorar la especificidad de la detección de NHPB por PCR y PCR en tiempo real, nos dirigimos a una región del gen de flagelos de NHPB, llamada proteína de gancho de flagelos (*flagE*), que está presente solo en bacterias flageladas. Los genes de flagelos han evolucionado y divergieron de una manera específica de linaje en los diferentes grupos bacterianos, lo que hace que esta región del gen sea altamente específica para la detección de NHPB.

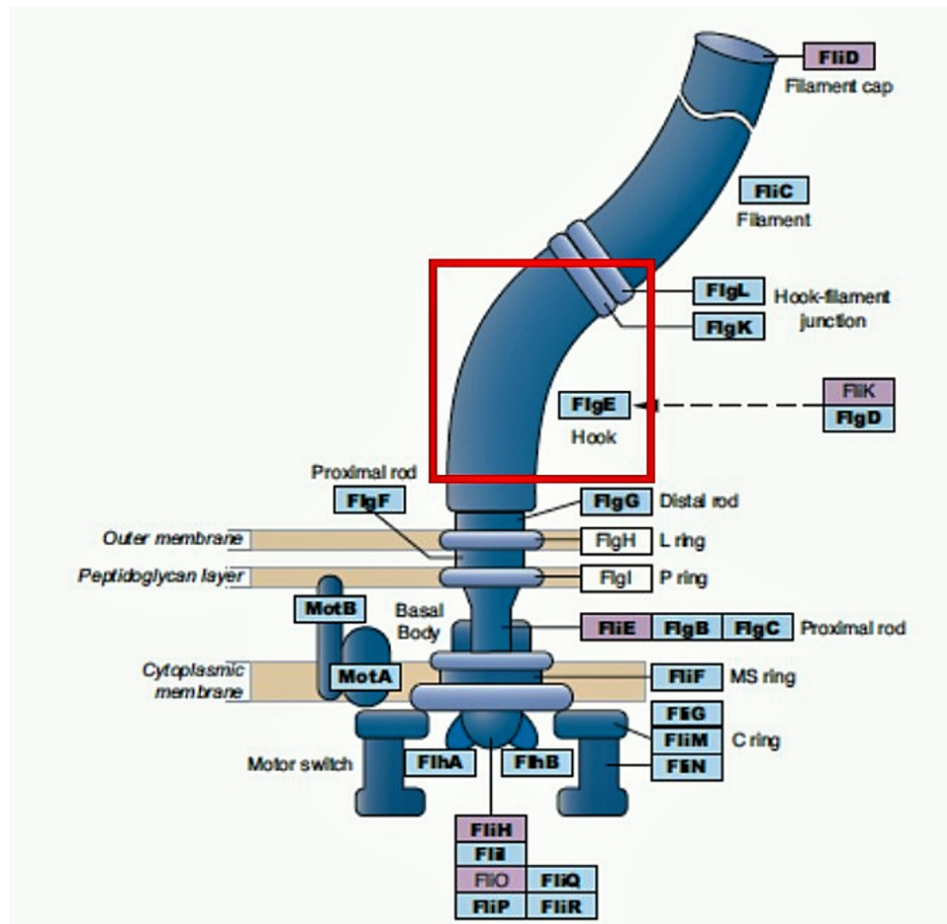


Fig. 2: Un diagrama esquemático del sistema flagelar bacteriano que incluye la región *flgE* (modificado de, Liu et al., 2017).

La electroforesis en gel de agarosa de los amplicones de PCR utilizando los cebadores de rRNA 16S de dos muestras (18-316 y 17-689 en el panel izquierdo de la Fig. 3) de quistes de artemia mostraron algunas bandas no específicas de 379 pb (Fig. 3). El panel del lado derecho muestra el mismo conjunto de muestras amplificadas con los cebadores *flgE*. A diferencia de la amplificación que utiliza los cebadores 16S rRNA, la amplificación con los cebadores *flgE* no muestra productos de amplificación en el gel de electroforesis. La secuenciación del amplicón a partir de los cebadores de rRN 16Sr confirmó el producto de amplificación inespecífica.

Fig. 3: Detección por PCR de NHPB en muestras de quistes de artemia utilizando cebadores basados en dos genes diferentes, 16S rRNA y genes *flgE*.

We also developed a new real-time PCR method targeting the same *flgE* region and by using a TaqMan hydrolysis probe (designed to increase the specificity of quantitative PCR). The new real-time PCR assay for NHPB did not provide any non-specific amplification, as obtained with the current OIE real-time PCR assay, and has a detection limit of 100 copies and a log-linear range of up to 10^8 copies.

Sensibilidad

La sensibilidad analítica del nuevo PCR de NHP se determinó utilizando 10 muestras positivas de NHPB de siete orígenes con dos conjuntos diferentes de cebadores: 16S rRNA y *flg E*. En la Fig. 4, el lado izquierdo del gel de agarosa muestra muestras amplificadas usando el método actual recomendado por la OIE (16S rRNA); en el lado derecho están las mismas muestras amplificadas por el nuevo método. Ambos métodos proporcionaron resultados similares y una intensidad similar de las bandas de ADN en el gel de agarosa.

Fig. 4: Detección de NHPB por PCR convencional en diez muestras diferentes de hepatopáncreas de *Penaeus vannamei* infectados basado en los genes 16S rRNA y *flg E*. M: marcador de peso molecular de escalera 1 kb o más; ntc, control sin plantilla; 1, Ecuador 2015a; 4, México 2013; 5, Texas 2013a; 6, Belice 2016; 7, Panamá 2016; 8, Texas

2006a; 9, Honduras 2016; 10, Texas 2006b; 11, Texas 2013b; 12; Brasil 2012.

Con el fin de determinar la especificidad de la amplificación utilizando el protocolo basado en el gen *flgE*, el ADN extraído de camarones infectados con enfermedades virales – incluyendo IMN, YHD, IHNN, WSD y TS – y las enfermedades bacterianas, incluyendo *V. parahaemolyticus*, *V. harveyi*, *Spiroplasma penaei* – *V. parahaemolyticus* causante de AHPND y NHPB – se utilizaron como plantillas para la amplificación por PCR. Se obtuvieron resultados negativos para todas las enfermedades del camarón, excepto NHPB. Esto indica la alta especificidad de los cebadores utilizados para la amplificación del gen *flgE* en la detección de NHPB.

También investigamos la relación filogenética de aislados de NHPB obtenidos de diferentes regiones geográficas. Las muestras positivas de NHPB utilizadas en este estudio se originaron en Texas, EE. UU. (muestras a y b de 2016), Ecuador (2011), México (2013), Texas, EE. UU. (muestras a, b & c de 2013), Ecuador (muestras a & b desde 2015) y Honduras (2016). El análisis filogenético basado en el gen 16S rRNA mostró dos grupos: un grupo contenía aislados de Ecuador, mientras que el segundo grupo contenía aislados de México y Texas, EE. UU. (Fig. 5). Las muestras de Ecuador en 2011 y 2015 se agruparon en el mismo grupo, lo que sugiere la presencia del mismo aislado de NHPB.

Fig. 5: Árbol filogenético de la alineación de las secuencias de ARNr 16S de 12 aislamientos geográficos de *H. penaei* (NHPB).

Implicaciones de NHPB a nivel de granja

Se ha reportado NHP en sub-adultos y poblaciones de reproductores en granjas, causando diferentes patrones de mortalidad en las Américas. En algunos países, como en Colombia, el NHP no causa mortalidades graves como se reporta en otros países, y los signos clínicos típicos del NHP no siempre

son detectados. Este fenómeno podría estar relacionado con la resistencia de algunas líneas de *P. vannamei* al NHP. También es posible que los aislados de NHPB puedan variar en su patogenicidad, lo que podría explicar el diferente patrón de mortalidad en diferentes regiones.

Perspectivas

Describimos ensayos de PCR convencional y de PCR en tiempo real basados en el gen *flgE* de NHPB como métodos alternativos para la detección y cuantificación de NHPB en muestras de camarones y asociadas con camarones, incluida artemia.

Ambos ensayos son altamente específicos y sensibles. La sensibilidad del PCR de NHP *flgE* es similar al método de la OIE recomendado actualmente, pero debido a su mayor especificidad en comparación con el método actual de la OIE, el método recién descrito será una herramienta de diagnóstico adicional para la confirmación de este patógeno.

Referencias disponibles del primer autor.

Authors



LUIS FERNANDO ARANGUREN, PH.D.

Corresponding author
Aquaculture Pathology Laboratory
School of Animal and Comparative Biomedical Sciences
The University of Arizona
Tucson, Arizona, USA
lfarangu@email.arizona.edu



ARUN K. DHAR, PH.D.

Associate Professor & Director
Aquaculture Pathology Laboratory
School of Animal and Comparative Biomedical Sciences
The University of Arizona
Tucson, Arizona, USA

Copyright © 2024 Global Seafood Alliance

All rights reserved.